

Table S2. Linear mixed models of associations between height and 377 imputed SNPs, which have an evidence of genome-wide significance ($P < 5 \times 10^{-8}$) in the discovery sample.

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
2	<i>EFEMP1</i>	rs899186603	0.120	0.56	0.10	1.79E-08
2	<i>EFEMP1</i>	rs191350564	0.132	0.52	0.10	4.90E-08
2	<i>EFEMP1</i>	rs7573078	0.136	0.59	0.09	3.95E-10
2	<i>EFEMP1</i>	rs59985551	0.233	0.48	0.08	2.06E-09
2	<i>EFEMP1</i>	rs3748959	0.133	0.61	0.10	2.36E-10
2	<i>DIS3L2</i>	rs12620618	0.457	-0.39	0.07	1.70E-08
2	<i>DIS3L2</i>	rs10933385	0.457	-0.40	0.07	8.80E-09
2	<i>DIS3L2</i>	rs76803230	0.469	-0.42	0.07	2.02E-09
2	<i>DIS3L2</i>	rs58575560	0.466	-0.40	0.07	1.21E-08
2	<i>DIS3L2</i>	rs4973032	0.455	-0.39	0.07	1.53E-08
2	<i>DIS3L2</i>	rs201189322	0.463	-0.42	0.07	2.28E-09
2	<i>DIS3L2</i>	rs6728302	0.499	0.39	0.07	2.36E-08
2	<i>DIS3L2</i>	rs3116200	0.451	-0.40	0.07	1.52E-08
3	<i>ZBTB38</i>	rs1863868	0.309	0.48	0.08	2.14E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs7624084	0.326	0.50	0.08	2.50E-11
3	<i>ZBTB38</i>	rs7632381	0.333	0.52	0.07	2.91E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs4683606	0.333	0.53	0.07	1.93E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs73872711	0.276	0.49	0.08	1.83E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs1189316574	0.327	0.51	0.07	1.10E-11
3	<i>ZBTB38</i>	rs13068733	0.333	0.53	0.07	1.87E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs74888405	0.276	0.49	0.08	2.24E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs2871960	0.333	0.53	0.07	1.87E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs1344674	0.333	0.53	0.07	1.87E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs1344672	0.333	0.53	0.07	1.87E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs57345461	0.332	0.52	0.07	5.28E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs58473751	0.332	0.51	0.07	5.85E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs6763927	0.336	0.52	0.07	2.51E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs6440006	0.335	0.52	0.07	5.01E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs55715186	0.331	0.51	0.07	6.18E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs6802753	0.224	0.46	0.08	2.65E-08
3	<i>ZBTB38</i>	rs78960151	0.278	0.49	0.08	4.27E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs7650602	0.333	0.52	0.07	3.21E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs75220288	0.225	0.46	0.08	2.80E-08
3	<i>ZBTB38</i>	rs6440007	0.278	0.49	0.08	4.32E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs115037602	0.224	0.46	0.08	2.65E-08
3	<i>ZBTB38</i>	rs6810158	0.278	0.49	0.08	4.27E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs9856584	0.328	0.50	0.07	2.56E-11
3	<i>ZBTB38</i>	rs9822817	0.277	0.49	0.08	5.46E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs7625643	0.331	0.51	0.07	9.22E-12
3	<i>ZBTB38</i>	rs143772616	0.277	0.49	0.08	4.17E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs9876694	0.224	0.47	0.08	2.42E-08
3	<i>ZBTB38</i>	rs533037864	0.225	0.46	0.08	2.78E-08

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
3	<i>ZBTB38</i>	rs59075313	0.277	0.49	0.08	4.52E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs6440008	0.279	0.50	0.08	1.55E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs928527819	0.290	0.50	0.08	6.79E-11
3	<i>ZBTB38</i>	rs62282002	0.254	0.48	0.08	1.83E-09
3	<i>ZBTB38</i>	rs16851435	0.331	0.48	0.08	1.52E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs16851438	0.329	0.48	0.08	2.26E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs9878347	0.331	0.47	0.08	4.97E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs9879503	0.331	0.47	0.08	5.04E-10
3	<i>ZBTB38</i>	rs16851441	0.254	0.49	0.08	1.47E-09
3	<i>ZBTB38-RASA2</i>	rs1863867	0.323	0.47	0.08	7.55E-10
3	<i>ZBTB38-RASA2</i>	rs76152047	0.250	0.46	0.08	1.64E-08
3	<i>ZBTB38-RASA2</i>	rs2312193	0.253	0.45	0.08	2.39E-08
3	RASA2*	rs79147413	0.281	0.47	0.08	2.98E-09
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs73096946	0.351	-0.46	0.07	6.66E-11
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs16895735	0.137	-0.63	0.09	2.43E-11
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs7674450	0.356	-0.45	0.07	1.76E-10
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs12640250	0.438	0.46	0.07	2.07E-11
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs60258355	0.285	-0.55	0.07	1.02E-13
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs118071982	0.140	-0.63	0.09	2.68E-11
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs77992809	0.140	-0.63	0.09	2.47E-11
4	<i>FAM184B-DCAF16</i>	rs111512288	0.140	-0.62	0.09	3.28E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs7683905	0.140	-0.63	0.09	2.47E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs1426448246	0.140	-0.63	0.09	2.47E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs1327271947	0.140	-0.63	0.09	2.47E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs7678441	0.356	-0.45	0.07	1.76E-10
4	<i>DCAF16</i>	rs7679066	0.438	0.46	0.07	1.49E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs113241654	0.285	-0.55	0.07	1.02E-13
4	<i>DCAF16</i>	rs111751803	0.140	-0.63	0.09	2.68E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs78999647	0.140	-0.63	0.09	2.68E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs7690457	0.140	-0.64	0.09	1.40E-11
4	<i>DCAF16</i>	rs2286539	0.356	-0.45	0.07	1.23E-10
4	<i>NCAPG-DCAF16</i>	rs11941723	0.144	-0.63	0.09	1.43E-11
4	<i>NCAPG-DCAF16</i>	rs2074974	0.441	0.46	0.07	1.50E-11
4	<i>NCAPG-DCAF16</i>	rs16895792	0.132	-0.67	0.10	2.12E-12
4	<i>NCAPG-DCAF16</i>	rs16895796	0.143	-0.61	0.09	3.90E-11
4	<i>NCAPG-DCAF16</i>	rs16895802	0.142	-0.61	0.09	7.93E-11
4	<i>NCAPG</i>	rs139724825	0.143	-0.60	0.09	1.01E-10
4	<i>NCAPG</i>	rs4698210	0.450	0.47	0.07	6.50E-12
4	<i>NCAPG-LCORL</i>	rs2286537	0.446	0.48	0.07	2.70E-12
4	<i>NCAPG-LCORL</i>	rs2286534	0.447	0.48	0.07	2.19E-12
4	<i>NCAPG-LCORL</i>	rs59037741	0.142	-0.62	0.09	4.07E-11
4	<i>NCAPG-LCORL</i>	rs1363569236	0.446	0.48	0.07	2.48E-12
4	<i>NCAPG-LCORL</i>	rs16895882	0.143	-0.61	0.09	5.32E-11
4	<i>NCAPG-LCORL</i>	rs200031569	0.143	-0.61	0.09	5.32E-11
4	<i>LCORL</i>	rs113474791	0.347	-0.45	0.07	1.42E-10

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
4	<i>LCORL</i>	rs113591949	0.288	-0.54	0.07	2.41E-13
4	<i>LCORL</i>	rs6842128	0.446	0.47	0.07	3.03E-12
4	<i>LCORL</i>	rs6844379	0.446	0.47	0.07	3.03E-12
4	<i>LCORL</i>	rs75878186	0.288	-0.54	0.07	2.34E-13
4	<i>LCORL</i>	rs79334166	0.288	-0.54	0.07	1.97E-13
4	<i>LCORL</i>	rs12233810	0.446	0.48	0.07	2.39E-12
4	<i>LCORL</i>	rs145087631	0.142	-0.62	0.09	3.38E-11
4	<i>LCORL</i>	rs58854324	0.352	-0.45	0.07	9.32E-11
4	<i>LCORL</i>	rs113476736	0.287	-0.55	0.07	7.04E-14
4	<i>LCORL</i>	rs74619517	0.285	-0.55	0.07	9.67E-14
4	<i>LCORL</i>	rs73098804	0.285	-0.55	0.07	1.27E-13
4	<i>LCORL</i>	rs73242122	0.443	0.47	0.07	5.62E-12
4	<i>LCORL</i>	rs78439738	0.147	-0.63	0.09	7.57E-12
4	<i>LCORL</i>	rs13131350	0.292	-0.56	0.07	1.92E-14
4	<i>LCORL</i>	rs76264386	0.147	-0.63	0.09	1.01E-11
4	<i>LCORL</i>	rs78994908	0.147	-0.63	0.09	1.01E-11
4	<i>LCORL</i>	rs7700107	0.292	-0.56	0.07	1.71E-14
4	<i>LCORL</i>	rs1355337608	0.280	-0.50	0.07	1.81E-11
4	<i>LCORL</i>	rs16895971	0.292	-0.56	0.07	1.58E-14
4	<i>LCORL</i>	rs979532	0.445	0.46	0.07	6.64E-12
4	<i>LCORL</i>	rs1388557466	0.147	-0.63	0.09	6.64E-12
4	<i>LCORL</i>	rs4144829	0.445	0.46	0.07	6.64E-12
4	<i>LCORL</i>	rs2174633	0.444	0.47	0.07	4.68E-12
4	<i>LCORL</i>	rs2135509	0.444	0.47	0.07	4.68E-12
4	<i>LCORL</i>	rs78993313	0.146	-0.65	0.09	2.65E-12
4	<i>LCORL</i>	rs78471813	0.146	-0.64	0.09	3.11E-12
4	<i>LCORL</i>	rs116870149	0.146	-0.63	0.09	1.25E-11
4	<i>LCORL</i>	rs868195621	0.318	-0.56	0.07	2.82E-15
4	<i>LCORL</i>	rs80043981	0.146	-0.64	0.09	3.11E-12
4	<i>LCORL</i>	rs1170697762	0.146	-0.65	0.09	2.40E-12
4	<i>LCORL</i>	rs1389457130	0.436	0.42	0.07	3.34E-10
4	<i>LCORL</i>	rs2707450	0.438	0.45	0.07	1.81E-11
4	<i>LCORL</i>	rs2724475	0.441	0.46	0.07	6.63E-12
4	<i>LCORL</i>	rs75821218	0.070	-0.69	0.12	3.91E-08
4	<i>LCORL</i>	rs2724486	0.442	0.46	0.07	8.33E-12
4	<i>LCORL</i>	rs76828425	0.146	-0.63	0.09	6.94E-12
4	<i>LCORL</i>	rs2724472	0.442	0.46	0.07	7.50E-12
4	<i>LCORL</i>	rs78113793	0.442	0.47	0.07	5.84E-12
4	<i>LCORL</i>	rs111370140	0.146	-0.63	0.09	5.76E-12
4	<i>LCORL</i>	rs2061456	0.440	0.46	0.07	1.29E-11
4	<i>LCORL</i>	rs113214641	0.146	-0.64	0.09	5.17E-12
4	<i>LCORL</i>	rs781338988	0.208	-0.47	0.08	1.65E-09
4	<i>LCORL</i>	rs79032496	0.146	-0.64	0.09	5.17E-12
4	<i>LCORL</i>	rs112743014	0.439	0.46	0.07	1.06E-11
4	<i>LCORL</i>	rs2610990	0.438	0.44	0.07	5.74E-11

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
4	<i>LCORL</i>	rs77093246	0.144	-0.56	0.09	1.37E-09
4	<i>LCORL</i>	rs16896276	0.434	0.44	0.07	5.57E-11
4	<i>LCORL</i>	rs78015869	0.144	-0.56	0.09	1.11E-09
4	<i>LCORL</i>	rs2610989	0.436	0.44	0.07	6.79E-11
4	<i>LCORL</i>	rs2011603	0.438	0.44	0.07	5.88E-11
4	<i>LCORL-LOC107986262</i>	rs78286014	0.150	-0.55	0.09	1.20E-09
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs7692554	0.220	0.44	0.08	3.64E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs13146616	0.220	0.44	0.08	4.73E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs7699073	0.220	0.44	0.08	4.73E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs13119931	0.220	0.44	0.08	4.73E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs17720281	0.220	0.44	0.08	4.73E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs17776795	0.220	0.44	0.08	4.16E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs7679425	0.220	0.44	0.08	4.16E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs138653418	0.220	0.44	0.08	4.16E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs34792358	0.220	0.44	0.08	4.42E-08
4	<i>HHIP-LOC105377462</i>	rs62346124	0.220	0.44	0.08	4.16E-08
4	<i>HHIP</i>	rs1320608240	0.222	0.44	0.08	3.90E-08
4	<i>HHIP</i>	rs77362667	0.220	0.45	0.08	3.32E-08
12	<i>RNF41-SMARCC2</i>	rs76459740	0.125	-0.53	0.10	3.04E-08
12	<i>RNF41*</i>	rs76280383	0.125	-0.53	0.10	4.60E-08
12	<i>NABP2*</i>	rs77394186	0.108	-0.64	0.10	4.58E-10
12	<i>NABP2*</i>	rs7311505	0.150	-0.53	0.09	2.10E-09
12	<i>SLC39A5*</i>	rs11171781	0.122	-0.58	0.10	1.77E-09
12	<i>ANKRD52</i>	rs72648137	0.163	-0.61	0.09	8.90E-13
12	<i>CNPY2</i>	rs7133285	0.168	-0.60	0.09	1.44E-12
12	<i>PAN2-CNPY2</i>	rs3809128	0.165	-0.60	0.09	2.69E-12
12	<i>PAN2</i>	rs146426492	0.158	-0.63	0.09	4.07E-13
12	<i>IGF1</i>	rs6218	0.284	-0.44	0.08	4.38E-08
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs7180194	0.101	-0.67	0.11	2.53E-10
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs7172362	0.101	-0.67	0.11	2.53E-10
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs7181631	0.101	-0.67	0.11	1.65E-10
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs2311313	0.125	-0.54	0.10	1.93E-08
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs28633725	0.101	-0.68	0.11	1.09E-10
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs9672558	0.102	-0.67	0.11	2.13E-10
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs62022255	0.101	-0.68	0.11	1.10E-10
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs28869768	0.101	-0.68	0.11	9.15E-11
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs28456063	0.101	-0.70	0.11	3.99E-11
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs28521971	0.101	-0.70	0.11	4.06E-11
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs59709578	0.101	-0.69	0.11	8.32E-11
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs143251811	0.100	-0.69	0.11	8.08E-11
15	<i>FAM169B-IGF1R</i>	rs1573891	0.101	-0.67	0.11	1.93E-10
15	<i>IGF1R</i>	rs13379905	0.094	-0.69	0.11	1.79E-10
15	<i>IGF1R</i>	rs28409768	0.096	-0.65	0.11	1.78E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs878639	0.275	0.46	0.08	8.12E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs57144198	0.166	0.52	0.09	1.58E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs6058227	0.167	0.51	0.09	1.74E-08

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
20	<i>UQCCI</i>	rs3795159	0.275	0.46	0.08	7.02E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs11907599	0.166	0.52	0.09	1.58E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs11905542	0.166	0.52	0.09	1.58E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2425055	0.275	0.46	0.08	7.02E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1406948	0.275	0.46	0.08	7.02E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1406949	0.275	0.46	0.08	7.02E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911488	0.166	0.52	0.09	1.58E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2425059	0.276	0.47	0.08	4.13E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911175	0.158	0.55	0.09	2.17E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6060371	0.276	0.46	0.08	9.98E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs2425061	0.281	0.45	0.08	1.77E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs4911489	0.172	0.49	0.09	4.35E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs17092579	0.172	0.49	0.09	4.35E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs4911490	0.172	0.49	0.09	4.35E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs56701397	0.172	0.49	0.09	4.35E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2425062	0.281	0.45	0.08	1.77E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs981819	0.281	0.45	0.08	1.77E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs981818	0.281	0.45	0.08	1.77E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2425063	0.281	0.45	0.08	1.77E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2425064	0.280	0.45	0.08	1.33E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2378349	0.279	0.46	0.08	8.85E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs2425065	0.280	0.46	0.08	1.02E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs2425066	0.280	0.46	0.08	1.02E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs1540927	0.280	0.46	0.08	7.12E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142349	0.280	0.46	0.08	7.12E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088799	0.280	0.46	0.08	7.12E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088800	0.280	0.46	0.08	7.12E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142351	0.281	0.46	0.08	4.74E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs56306402	0.281	0.46	0.08	6.77E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6058232	0.175	0.51	0.09	9.93E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911177	0.175	0.51	0.09	9.93E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088801	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088802	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142353	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs76812621	0.175	0.51	0.09	9.93E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911491	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs735531	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6087698	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs73616653	0.175	0.51	0.09	1.47E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs4911492	0.284	0.47	0.08	3.16E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911178	0.284	0.47	0.08	2.95E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs745931	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1570004	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs62211529	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142358	0.284	0.46	0.08	4.91E-09

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
20	<i>UQCCI</i>	rs6142359	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142360	0.284	0.46	0.08	5.68E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6060386	0.175	0.50	0.09	1.85E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs1540928	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs578043413	0.284	0.46	0.08	5.68E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs74720576	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142363	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142364	0.284	0.46	0.08	4.91E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088809	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs725908	0.284	0.46	0.08	4.89E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1406947	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142367	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6141548	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911496	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs4911179	0.280	0.45	0.08	1.38E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs4911180	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142369	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142370	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6141549	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088812	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088815	0.282	0.47	0.08	3.24E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6141550	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs73616654	0.175	0.50	0.09	1.85E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs4353719	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088816	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142373	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6579234	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088817	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088818	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs73616656	0.175	0.50	0.09	1.85E-08
20	<i>UQCCI</i>	rs6142374	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1886691	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1886692	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs1886693	0.288	0.47	0.08	1.97E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088820	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088821	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs62210587	0.284	0.47	0.08	4.23E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142376	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088823	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs74818422	0.284	0.46	0.08	4.86E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6087702	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6088825	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6087703	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs6142378	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCCI</i>	rs62210591	0.284	0.46	0.08	5.48E-09

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
20	<i>UQCC1</i>	rs6142379	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCC1</i>	rs6087704	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCC1</i>	rs6142380	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCC1</i>	rs6088830	0.284	0.46	0.08	5.48E-09
20	<i>UQCC1</i>	rs142570322	0.291	0.45	0.08	8.47E-09
20	<i>UQCC1</i>	rs59346269	0.175	0.50	0.09	1.99E-08
20	<i>UQCC1</i>	rs62210593	0.283	0.46	0.08	6.05E-09
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6060401	0.283	0.46	0.08	5.95E-09
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6060402	0.284	0.46	0.08	5.50E-09
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6141551	0.283	0.46	0.08	6.45E-09
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs4911498	0.175	0.50	0.09	2.14E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs7262358	0.283	0.46	0.08	6.45E-09
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6142381	0.283	0.46	0.08	6.45E-09
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6058241	0.175	0.50	0.09	2.91E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs224318	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs224319	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs60791635	0.175	0.50	0.09	2.91E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs224320	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs224321	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6060406	0.175	0.50	0.09	2.91E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs73616665	0.175	0.50	0.09	2.91E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs61478278	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs60508807	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs4911181	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs73616666	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs73616667	0.175	0.50	0.09	2.65E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs4911182	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs6060410	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs73616668	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>UQCC1-GDF5</i>	rs9798539	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs60164180	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs61515811	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs73616672	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs4911500	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs4911501	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs8117189	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs8117190	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs6060414	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs73616673	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs73616674	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs6060416	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224329	0.284	0.45	0.08	1.19E-08
20	<i>GDF5</i>	rs6058243	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs6058244	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs6058245	0.175	0.50	0.09	2.97E-08

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
20	<i>GDF5</i>	rs6058246	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs56366915	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs73611720	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224330	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224331	0.284	0.45	0.08	1.18E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224332	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224333	0.284	0.45	0.08	1.23E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224334	0.175	0.50	0.09	2.97E-08
20	<i>GDF5</i>	rs143384	0.281	0.48	0.08	2.20E-09
20	<i>GDF5</i>	rs143383	0.280	0.48	0.08	1.35E-09
20	<i>GDF5</i>	rs6058247	0.289	0.43	0.08	4.47E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224343	0.289	0.43	0.08	4.28E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224344	0.289	0.43	0.08	4.28E-08
20	<i>GDF5</i>	rs224347	0.289	0.43	0.08	4.28E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs6119609	0.290	0.44	0.08	3.11E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs6120951	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs224349	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs12480121	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs58458373	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs3818441	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>GDF5-CEP250</i>	rs75663037	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs1570841	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs736031	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs736032	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224351	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224352	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224353	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs8116304	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2296402	0.289	0.43	0.08	4.53E-08
20	<i>CEP250</i>	rs1886696	0.289	0.43	0.08	4.31E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6060430	0.289	0.43	0.08	4.31E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6060431	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6120954	0.290	0.43	0.08	4.01E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2281849	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224361	0.289	0.43	0.08	4.31E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224362	0.289	0.43	0.08	4.31E-08
20	<i>CEP250</i>	rs4911502	0.289	0.43	0.08	4.31E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224364	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6119612	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6119613	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2004554	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224366	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs750487	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6060434	0.290	0.43	0.08	4.08E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6060435	0.290	0.43	0.08	4.08E-08

Chr	Gene	SNP	MAF	Beta	SE	P
20	<i>CEP250</i>	rs562129566	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs4911505	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224370	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224371	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs11698935	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs58355182	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs55969606	0.289	0.43	0.08	3.65E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6119614	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6120959	0.289	0.43	0.08	3.62E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6058254	0.289	0.43	0.08	3.43E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224378	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs4911510	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs4281980	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2236165	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs224381	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2236161	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2236160	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs2236159	0.289	0.43	0.08	4.48E-08
20	<i>CEP250</i>	rs6060445	0.289	0.43	0.08	4.48E-08

Chr = chromosome, BETA = Beta coefficients, MAF = minor allele frequency, SE = standard error.

* denotes a novel gene.

Analysis was obtained after adjustment for covariates including age, gender, ancestry representative principle components, and a polygenic effect due to genetic relatedness.